

Analiza genetyczna siei (*Coregonus lavaretus*) z jeziora Łebsko – zastosowanie mikrosatelitarnego DNA

Dorota Fopp-Bayat, Anna M. Wiśniewska

Katedra Ichtiologii, Uniwersytet Warmińsko-Mazurski w Olsztynie

Zaprezentowane wyniki stanowią część prac mających na celu zdiagnozowanie stanu puli genetycznej populacji siei występującej w jeziorze Łebsko oraz w strefie przybrzeżnej, realizowanych w projekcie „Ichtiologiczna bioróżnorodność jezior – wypracowanie modelu rozwiązywania problemów na przykładzie zasobów naturalnych autochtonicznej siei wędrownej w jeziorze Łebsko (siei łebskiej)”. Określono polimorfizm 7 loci mikrosatelitarnego DNA (*Clav-8*, *Clav-18*, *Clav-28*, *Str-15*, *Str-73*, *Sfo-292*, *C-80*), zidentyfikowano 66 alleli: od 2 alleli w locus *Str-73* do 34 alleli w locus *C-80*. Obliczono frekwencję alleli w poszczególnych loci mikrosatelitarnego DNA, heterozygotyczność obserwowaną i heterozygotyczność oczekiwaną oraz stopień polimorficzności danego locus (PIC). Wykazano, iż średnia obserwowana heterozygotyczność była wysoka i wynosiła 0,78.