

Wstępna analiza polimorfizmu sieci wędrownej (*Coregonus lavaretus*) ze zlewni Odry

*Magdalena Achrem¹, Lidia Skuza¹, Lucyna Kirczuk², Józef Domagała²,
Małgorzata Pilecka-Rapacz²*

¹Katedra Biologii Komórki, Uniwersytet Szczeciński

²Katedra Zoologii Ogólnej, Uniwersytet Szczeciński

Analizie poddano 47 osobników sieci z Zatoki Pomorskiej, Zalewu Szczecińskiego i dolnej Odry. Otrzymane wyniki wykazały podobieństwo genetyczne między analizowanymi populacjami ryb, wahające się od 49,5 pomiędzy populacją Zatoki Pomorskiej i dolnej Odry, do 96,0 pomiędzy rybami z Zalewu Szczecińskiego i dolnej Odry. Skonstruowano macierz podobieństwa oraz wyrysowano drzewo podobieństwa genetycznego. Otrzymane wyniki wskazują na bardzo duże zróżnicowanie genetyczne badanych ryb.

Badania współfinansowane przez Unię Europejską w ramach Programu Operacyjnego „Zrównoważony rozwój sektora rybołówstwa i nadbrzeżnych obszarów rybackich 2007-2013”, nr umowy 00001-61724-OR1600004/10